

Apports de La spectrométrie de masse

Pour l'étude des biomarqueurs de dose efficace et d'effet



Dr Jean-Luc Ravanat

Laboratoire Lésions des Acides Nucléiques, Inac/SCIB UMR E3 CEA-UJF, CEA Grenoble, 17 rue des martyrs 38054 Grenoble cedex 9

jravanat@cea.fr

Jean-Luc Ravanat, CEA-Grenoble

Colloque HAP, Montréal 2-3 sept 2008

Introduction : La spectrométrie de masse



- La spectrométrie de masse est une technique d'analyse ancienne, dont les fondements ont été posés à la fin du XIXème siècle
- Les premières analyses de spectrométrie de masse ont été décrites en 1912 par Joseph J. Thompson.

Applications à la biologie : **difficulté**

- Analyse des ions sous vide (limite applications)

- Développement des méthodes d'ionisation douce : **Electrospray** (à pression atmosphérique)

ELECTROSPRAY INTERFACE FOR LIQUID CHROMATOGRAPHS AND MASS SPECTROMETERS
WHITEHOUSE CM, DREYER RN, YAMASHITA M, et al.
ANALYTICAL CHEMISTRY 57 (3): 675-679 1985

John B. Fenn, prix Nobel chimie en 2002.

Jean-Luc Ravanat, CEA-Grenoble

Colloque HAP, Montréal 2-3 sept 2008

La spectrométrie de masse



- Introduction
 - Evolution récente

- Principes
 - Ionisation
 - MS et MS/MS

- Avantages
 - sensibilité
 - spécificité

- Exemples d'application

- Evolution future ?

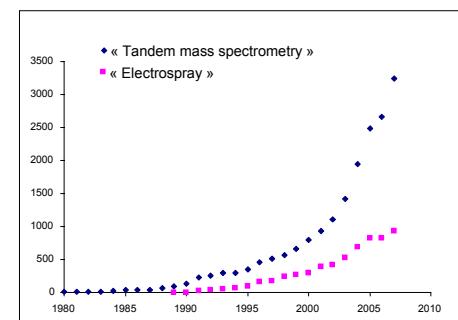
Jean-Luc Ravanat, CEA-Grenoble

Colloque HAP, Montréal 2-3 sept 2008

La spectrométrie de masse en mode tandem : Introduction



Nombre d'articles publiés / année



Source : ISI web of knowledge
<http://apps.isiknowledge.com/>

Jean-Luc Ravanat, CEA-Grenoble

Colloque HAP, Montréal 2-3 sept 2008

La spectrométrie de masse : principes

Spectromètre de masse :

- Source ionisation
- Analyseur
- DéTECTeur
- Traitement des données

Utilisation

- Détermination de poids moléculaires
- Caractérisation

Utilisation de la spectrométrie de masse comme un détecteur

- Permet « d'isoler » des molécules (ions) de m/z déterminé
- Bonne sensibilité (si ionisation efficace)
- Très bonne spécificité (MS/MS)
- Versatilité

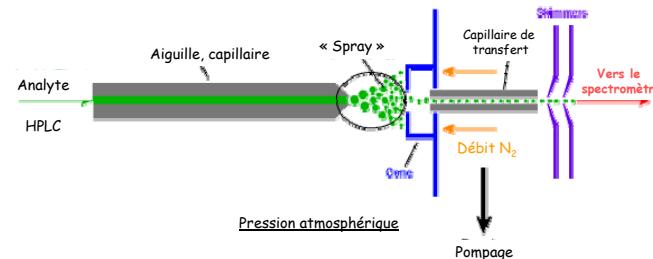
Jean-Luc Ravanat, CEA-Grenoble

Colloque HAP, Montréal 2-3 sept 2008

La spectrométrie de masse : l'ionisation

Source d'ionisation : Ioniser les molécules d'intérêt
Éliminer les neutres (solvant)

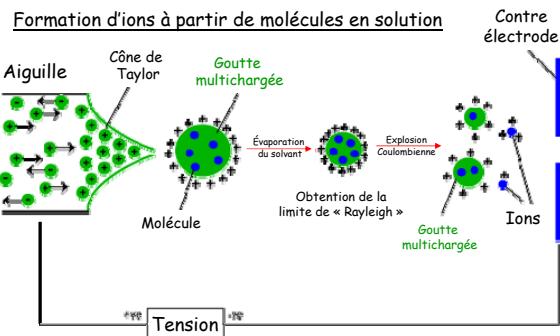
Ionisation douce à pression atmosphérique : l'électrospray



Jean-Luc Ravanat, CEA-Grenoble

Colloque HAP, Montréal 2-3 sept 2008

Ionisation électrospray : principes



Avantages : bons rendements d'ionisation, peu de fragmentation
Limitations : formation d'entités multichargées, adduits

Jean-Luc Ravanat, CEA-Grenoble

Colloque HAP, Montréal 2-3 sept 2008

Spectrométrie de masse : les analyseurs

Séparation des molécules en fonction du rapport m/z
(isoler ou détecter individuellement des ions)

Secteur magnétique

- déviation d'un ion dans un champ magnétique

Temps de vol (Time of flight: Tof)

- temps mis par un ion pour parcourir une distance

Quadrupôle & trappe d'ions

- Filtre/piège des ions dans un champs électromagnétique

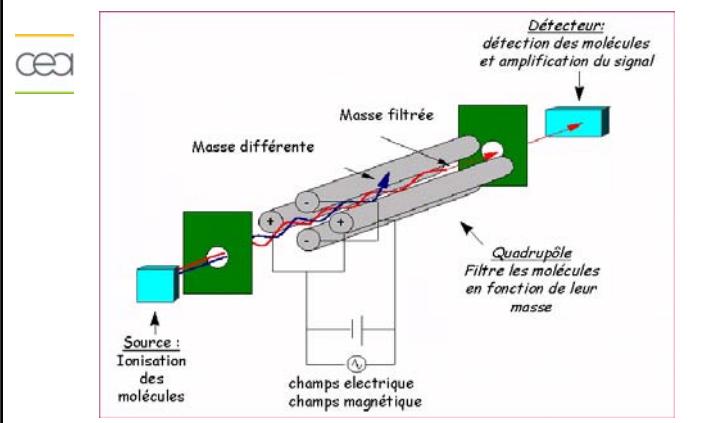
Possibilité de combiner plusieurs analyseurs

- MS/MS tripe quadrupolaires
- Q / Tof

Jean-Luc Ravanat, CEA-Grenoble

Colloque HAP, Montréal 2-3 sept 2008

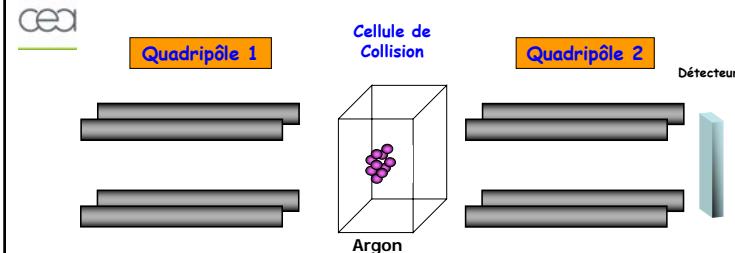
Analyseur : quadripôle



Jean-Luc Ravanat, CEA-Grenoble

Colloque HAP, Montréal 2-3 sept 2008

La spectrométrie de masse en mode tandem triple quadripolaire



Q 1 Sélectionne l'ion d'intérêt de la molécule (ion pseudomoléculaire)

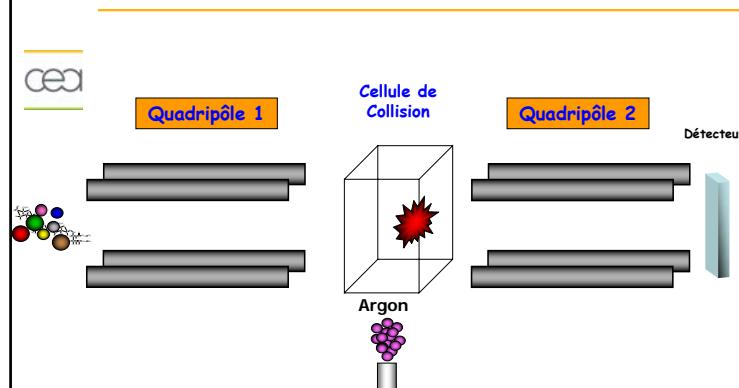
Q 2 (cellule de collision) Fragmente cet ion par collision avec un gaz neutre

Q 3 Analyse les ions (ions fils) issus de la fragmentation de l'ion parent

Jean-Luc Ravanat, CEA-Grenoble

Colloque HAP, Montréal 2-3 sept 2008

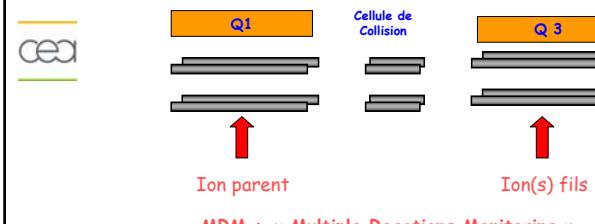
La spectrométrie de masse en mode tandem triple quadripolaire



Jean-Luc Ravanat, CEA-Grenoble

Colloque HAP, Montréal 2-3 sept 2008

Le mode « Multiple reactions monitoring » : MRM



MRM : « Multiple Reactions Monitoring »

Sélection d'un ion parent dans Q1

Ion fragmenté dans Q2 (cellule de collision)

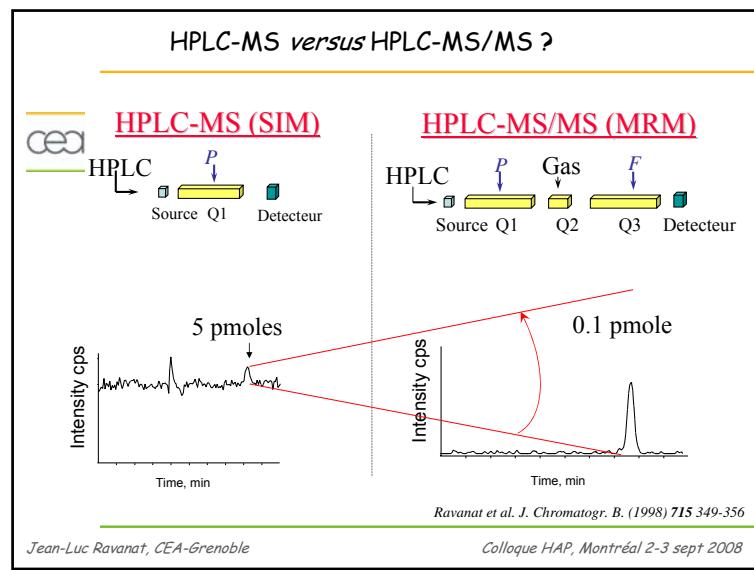
Sélection d'un (ou des) ions fils dans Q3

DéTECTEUR sensible et spécifique (mode le plus utilisé)

Mise au point d'une méthode à partir d'un standard, recherche des ions fils et optimisation de l'ionisation et de la fragmentation

Jean-Luc Ravanat, CEA-Grenoble

Colloque HAP, Montréal 2-3 sept 2008



HPLC-MS versus HPLC-MS/MS ?

cea

MS/MS plus grande sensibilité !

Sensibilité = Signal/Noise (S/N)

- $\text{MRM}_{\text{Signal}} < \text{SIM}_{\text{signal}}$
- $\text{MRM}_{\text{noise}} \ll \text{SIM}_{\text{noise}}$

Donc $\text{MRM}_{\text{sens}} \gg \text{SIM}_{\text{sens}}$

MS/MS plus sensible que MS
molécule & matrice dépendant

Augmentation de la spécificité
possibilité d'utiliser plusieurs transitions (plusieurs ions fils)

Jean-Luc Ravanat, CEA-Grenoble

Colloque HAP, Montréal 2-3 sept 2008

